



Universiteit
Leiden
The Netherlands

Generalised Osteoarthritis: from Mendelian Disorder to Complex Disease

Min, J.L.

Citation

Min, J. L. (2007, January 17). *Generalised Osteoarthritis: from Mendelian Disorder to Complex Disease*. Retrieved from <https://hdl.handle.net/1887/8782>

Version: Corrected Publisher's Version

License: [Licence agreement concerning inclusion of doctoral thesis in the Institutional Repository of the University of Leiden](#)

Downloaded from: <https://hdl.handle.net/1887/8782>

Note: To cite this publication please use the final published version (if applicable).

Stellingen behorend bij het proefschrift '**Generalised osteoarthritis: from Mendelian disorder to complex disease**'.

1. Fenotypering in het genetisch epidemiologisch onderzoek naar artrose richt zich teveel op artrose van een enkele gewrichtsgroep (dit proefschrift).
2. De R324G variant in het gen dat codeert voor Frizzled-related protein verhoogt niet alleen het risico op heupartrose maar ook op gegeneraliseerde artrose (dit proefschrift).
3. Het is zeer onwaarschijnlijk dat genetische variatie in het *CALM1* gen bijdraagt aan het risico op artrose in Caucasische populaties (dit proefschrift).
4. Genetisch onderzoek heeft aangetoond dat genen die een rol spelen in endochondrale ossificatie, zoals *DIO2*, *NRP2* and *FRZB*, bijdragen aan het risico op artrose in de bevolking (dit proefschrift).
5. Het repliceren en confirmeren van andermans bevindingen is bepalend voor het ontrafelen van de genetica van complexe ziekten. (Spector et al. *Arthritis Rheum.* 2006; 54(4):1051-1054, Min et al. *Arthritis Rheum.* 2006; 54(9):3063-3064)
6. Het onderzoek naar de associatie van genetische varianten met veelvoorkomende complexe ziekten mag niet ten koste gaan van het onderzoek aan zeldzame Mendeliaanse ziekten. (SE Antonarakis and JS Beckmann *Nat Rev Genet.* 2006; 7(4):277-282)
7. De aandacht voor genetisch artrose onderzoek zou evenredig moeten zijn met de explosieve groei van het aantal artrosepatiënten dat veroorzaakt wordt door de toenemende vergrijzing en incidentie van overgewicht.
8. Voor het verkrijgen van een nauwkeurigere predictie en diagnose van ziekten en progressie van ziekten is het van belang om bij het fenotyperen zowel moleculaire, genomische als genetische informatie te gebruiken. (Bell J. *Nature* 2004; 5: 453-456)
9. Statistisch significant is niet hetzelfde als biologisch relevant.
10. Denken dat anderen net zo zijn als jezelf, leidt tot misverstanden.

Leiden, oktober 2006
Josine Min