



Universiteit
Leiden
The Netherlands

Molecular diagnosis and genotyping of *Clostridium difficile*

Berg, R.J. van den

Citation

Berg, R. J. van den. (2007, November 21). *Molecular diagnosis and genotyping of Clostridium difficile*. Retrieved from <https://hdl.handle.net/1887/12445>

Version: Corrected Publisher's Version

License: [Licence agreement concerning inclusion of doctoral thesis in the Institutional Repository of the University of Leiden](#)

Downloaded from: <https://hdl.handle.net/1887/12445>

Note: To cite this publication please use the final published version (if applicable).

Stellingen behorende bij het proefschrift

Molecular diagnosis and genotyping of *Clostridium difficile*

1. Real-time PCR kan gebruikt worden als eerste screening van fecale monsters voor de diagnose van *Clostridium difficile* geassocieerde ziekte (dit proefschrift)
2. PCR-ribotypering is een zeer geschikte genotyperingsmethode voor het herkennen van een uitbraak door een hypervirulent *C. difficile* isolaat (dit proefschrift)
3. Voor epidemiologisch onderzoek naar de verspreiding van *C. difficile* PCR-ribotypes 001, 017 en 027 is de MLVA (Multi Locus Variable Number of Tandem Repeats Analysis) de meest geschikte typeringsmethode (dit proefschrift)
4. Voor een onderscheid tussen een *C. difficile* infectie die recidiveert en een herinfectie die veroorzaakt wordt door een ander type van *C. difficile*, geeft het testen en typeren van één enkele *C. difficile* kolonie geen uitsluitsel (dit proefschrift)
5. Het voorkomen van PCR-ribotype 027 in een ziekenhuis is niet altijd geassocieerd met een verhoogde incidentie van CDAD (dit proefschrift)
6. Door vergelijkend fylogenomisch onderzoek lijkt het zeer wel mogelijk dat dieren een bron vormen voor humane *C. difficile* infectie (J Bacteriol 2006, 188: 7297-7305)

7. De verhoogde virulentie van *C. difficile* PCR-ribotype 027 isolaten wordt niet veroorzaakt door de 18bp 'in-frame' deletie van *tcdC* (Mol Microbiol 2007, 64: 1274-1288)
8. De kennis over de relevantie van repeat variatie in de MLVA voor verschillende bacteriele populaties zal in de komende jaren sterk toenemen (FEMS Immunol Med Microbiol 2007, 49: 22-27)
9. Het vroegtijdig herkennen van *C. difficile* geassocieerde ziekte door isolaten behorende tot PCR-ribotype 027 en toxinotype III is noodzakelijk voor het voorkomen van complicaties en verdere verspreiding van de bacterie (Curr Opin Infect Dis 2007, 20: 376-383)
10. Het is slechts een kwestie van tijd voor het volgende epidemische type van *C. difficile* zich zal presenteren met ernstige infecties en wereldwijde verspreiding
11. Kleine bacteriën kunnen voor grote problemen zorgen
12. It is not the strongest of the species that survives, nor the most intelligent, but the one most responsive to change (Charles Darwin)

Renate J. van den Berg

21 november 2007